TECNOLOGIA & INNOVAZIONE

MONDO /Il Consorzio int'l genoma agrumi,

cui hanno partecipato l'Istituto Genomica Applicata dell'università di Udine, la Scuola Superiore Sant'Anna di Pisa e il Cra, ha sequenziato il genoma delle clementine e di altri sette agrumi. E ha ricostruito come, a partire da un numero limitato di specie ancestrali selvatiche: pomelo, citrus maxima e mandarino citrus reticolata, si siano ottenute con una serie d'incroci le specie oggi più coltivate a fini alimentari. Si potranno così indirizzare i programmi di miglioramento genetico.

Peso: 5%

106-120-080

Telpress Servizi di Media Monitoring

Il presente documento è ad uso esclusivo del committente.