

Sequenziato il genoma dell'abete rosso Udine nel team

UDINE - Anche i ricercatori friulani dell'ateneo di Udine e dell'Istituto di genomica applicata (Iga) hanno partecipato, nell'ambito di un consorzio di ricerca internazionale, al più grande sequenziamento di genoma finora mai realizzato, quello dell'abete rosso (*Picea abies*). Il genoma di questa pianta (utilizzata per gli alberi di Natale), un vero e proprio fossile vivente originatasi oltre 300 milioni di anni fa, ha infatti una dimensione di 20 miliardi di basi di Dna, a fronte del genoma umano che conta 3 miliardi di basi. Ateneo friulano e Iga sono gli unici partner italiani del progetto realizzato in due anni con università e centri di ricerca svedesi, canadesi e belgi e finanziato dal governo di Stoccolma con 15 milioni di euro. I ricercatori friulano hanno analizzato i dati di sequenza per comprendere la composizione del genoma in termini di Dna spazzatura e costruire un modello per l'evoluzione del genoma dell'abete rosso. I risultati della ricerca sono stati pubblicati dalla rivista Nature.