

RUBRICHE

Dall'analisi del Dna di otto specie

Un incrocio incestuoso
nella storia degli agrumi

LA RICERCA

Milano

È una storia davvero succosa, quella dell'antica famiglia degli agrumi: si tratta di una vera e propria "Dynasty" fatta di intrecci incestuosi e viaggi tra continenti, la cui puntata zero è stata scritta da due antiche specie selvatiche originarie del Sud-Est asiatico che oltre 5 milioni di anni fa hanno intrapreso strade evolutive diverse.

Lo rivela l'analisi del Dna di otto specie di agrumi moderni pubblicata su Nature Biotechnology dall'International Citrus Genome Consortium, un gruppo internazionale di ricerca che vede l'Italia in prima fila (grazie al progetto Citromics finanziato dal Ministero delle Risorse Agricole e Forestali) con la Scuola Superiore Sant'Anna di Pisa, l'Istituto di Genomica Applicata di Udine e il Cra-Centro di Ricerca per l'Agrumicoltura e le Colture Mediterranee di Acireale. Grazie alle nuove tecnologie di sequenziamento ad alta processività, i ricercatori

hanno ricostruito come un numero limitato di specie ancestrali selvatiche (pomelo *Citrus maxima* e mandarino *Citrus reticulata*) abbia dato vita alle specie oggi più diffuse grazie ad una serie di incroci "incestuosi". Un esempio lampante è quello dell'arancio dolce e di quello amaro: entrambe le specie derivano da mandarino e pomelo, ma mentre l'arancio amaro è un ibrido semplice che ha avuto pomelo come madre e mandarino come padre, l'arancio dolce è il risultato di uno schema di incrocio più complesso, in cui prima pomelo è stato incrociato con mandarino, poi la pianta risultante è stata incrociata con pomelo ed infine ancora con mandarino. Questo "ritratto di famiglia" rappresenta un'arma molto potente per combattere le ma-

lattie più comuni (come l'inverdimento degli agrumi) che minacciano le coltivazioni sfruttando la loro ridotta diversità genetica.

«L'analisi della diversità genetica presente fra specie e varietà di Citrus ha consentito di ricostruire la storia evo-

lutiva e l'impatto dei processi di addomesticamento e di selezione portati avanti dall'uomo», spiega Michele Morgante, direttore scientifico dell'Istituto di Genomica applicata e professore di genetica presso l'Università di Udine.

«Nonostante le dimensioni relativamente compatte - aggiunge Andrea Zuccolo, della Scuola Superiore Sant'Anna di Pisa - almeno il 45% del genoma di Citrus è costituito da sequenze ripetute. Il nostro contributo a questa importante ricerca si è concentrato sull'identificazione e sulla caratterizzazione di queste sequenze». «Ora - prosegue Giuseppe Reforgiato Recupero, del Cra-Acm di Acireale - con approcci simili potremo analizzare il contributo della terza specie ancestrale, il cedro, e l'origine delle specie da essa derivate, come limone, bergamotto, chinotto, lima e limetta, di grande importanza per l'agrumicoltura italiana».



Arance alla pesata



Peso: 18%